

# Systèmes d'information zootechniques organisés à l'échelle nationale

## Services opérés par le CTIG pour les filières génétiques des ruminants

### Table des matières

|                                                                             |    |
|-----------------------------------------------------------------------------|----|
| Systèmes d'information zootechniques organisés à l'échelle nationale .....  | 1  |
| Services opérés par le CTIG pour les filières génétiques des ruminants..... | 1  |
| Introduction – Objet du document .....                                      | 3  |
| Méthode et structure du document .....                                      | 4  |
| Périmètre fonctionnel « Services aux éleveurs ».....                        | 5  |
| 18. BGTA.....                                                               | 5  |
| 27. DIFFUBA.....                                                            | 5  |
| 28. DIFFUBL et ST DVG .....                                                 | 6  |
| 34. FIVL.....                                                               | 6  |
| 54. SECI .....                                                              | 7  |
| 55. SI Diffusion Index caprins.....                                         | 7  |
| 56. SI Diffusion Index OA.....                                              | 7  |
| 57. SI Diffusion Index OL .....                                             | 8  |
| 62. SI SPIE « Extrad pour Synchronisation SIG ».....                        | 8  |
| 66. SI-DVG « Répartiteur » .....                                            | 8  |
| 68. SIEOL .....                                                             | 9  |
| 69. SIG Bovin.....                                                          | 9  |
| 71. SIGENO Bovins .....                                                     | 9  |
| 72. SIGENO ME .....                                                         | 9  |
| 73. SIGENO PR.....                                                          | 9  |
| 75. Tournées bovines laitières Hors SIG .....                               | 9  |
| 76. Tournées bovines laitières SIG.....                                     | 9  |
| 79. Diffusion indexations mixtes, DIFFUBM .....                             | 10 |
| Périmètre fonctionnel « Gestion des données professionnelles » .....        | 11 |
| 1. Apports phénotypes hors SNIG .....                                       | 11 |
| 2. Base Boucs .....                                                         | 11 |
| 23. Consultations génériques .....                                          | 11 |
| 25. Copie Normabev (convention Idele).....                                  | 11 |
| 35. Flux SIGENO-Base ADN .....                                              | 12 |
| 38. IBOVAL Etrangers.....                                                   | 12 |
| 40. Infosnig Caprins (DGA20) .....                                          | 12 |
| 41. InfoSNIG CTIG (DGA20) .....                                             | 13 |
| 43. INMOLE (PrP & co) .....                                                 | 13 |
| 50. OVAL .....                                                              | 13 |
| 52. Réplication PR.....                                                     | 14 |
| 54. SECI .....                                                              | 14 |
| 67. SIECL .....                                                             | 15 |
| 68. SIEOL .....                                                             | 16 |
| 69. SIG Bovins .....                                                        | 16 |
| 70. SIG Multi Espèces .....                                                 | 17 |

|                                                                                    |    |
|------------------------------------------------------------------------------------|----|
| 71. SIGENO Bovins .....                                                            | 17 |
| 72. SIGENO ME .....                                                                | 17 |
| 73. SIGENO PR .....                                                                | 17 |
| Périmètre « Gestion animaux étrangers » .....                                      | 18 |
| 33. ETRIA.....                                                                     | 18 |
| 37. Gestion des N° étrangers .....                                                 | 18 |
| Périmètre fonctionnel « Paramétrage ».....                                         | 18 |
| 71. SIGENO Bovins .....                                                            | 18 |
| 73. SIGENO PR .....                                                                | 18 |
| Périmètres Fonctionnels HORS AMI transfert responsabilité .....                    | 19 |
| Périmètre « Valogène ».....                                                        | 19 |
| 64. SI Valogène .....                                                              | 19 |
| Périmètre « ETRIA » .....                                                          | 19 |
| 33. ETRIA .....                                                                    | 19 |
| Périmètre « Geneval » .....                                                        | 19 |
| 6. BDIR Bovin allaitant Aller) .....                                               | 19 |
| 8. BDIR Bovin lait Aller .....                                                     | 20 |
| 10. BDIR OVALL Aller.....                                                          | 20 |
| 12. BDIR SIECL Aller .....                                                         | 20 |
| 14. BDIR SIEOL Aller.....                                                          | 21 |
| 59. SI GenEval.....                                                                | 21 |
| 71. SIGENO Bovins.....                                                             | 21 |
| 73. SIGENO PR.....                                                                 | 22 |
| 77. BDIR aller pour les indexations mixtes.....                                    | 22 |
| 80. BDIR caprins Angora Aller .....                                                | 22 |
| Périmètre « Idele » .....                                                          | 22 |
| 42. Infrastructure pour Idele .....                                                | 23 |
| Périmètre « Missions BNDZ » .....                                                  | 23 |
| 7. BDIR Retour Bovin allaitant indexation RP et indexation croisement BV + BL..... | 23 |
| 9. BDIR Bovin lait indexation race pure Retour .....                               | 23 |
| 11. BDIR OVALL Retour .....                                                        | 24 |
| 13. BDIR SIECL Retour .....                                                        | 24 |
| 15. BDIR SIEOL Retour .....                                                        | 24 |
| 17. BNDZ .....                                                                     | 25 |
| 21. Comparaison SIG-BDNI .....                                                     | 25 |
| 65. SI VARUME.....                                                                 | 25 |
| 71. SIGENO Bovins.....                                                             | 25 |
| 72. SIGENO ME .....                                                                | 26 |
| 81. BDIR caprins Angora Retour .....                                               | 26 |

# Introduction – Objet du document

La publication du décret n° 2025-441 du 20 mai 2025 a acté la suppression de la base juridique des Systèmes Nationaux d'Information Génétique, en adaptant le code rural et de la pêche maritime (CRPM) au cadre défini par le Règlement (UE) 2016/1012 du 8 juin 2016 qui attribue aux organismes et établissements de sélection agréés la responsabilité des systèmes d'information zootechnique qu'ils mettent en œuvre.

Ce nouveau cadre réglementaire n'exclut pas de poursuivre l'exploitation mutualisée des systèmes d'informations développés dans le cadre des ex-SNIGS dont la responsabilité serait transférée aux professionnels concernés, notamment l'interprofession France Génétique Elevage, les fédérations professionnelles et les organismes de sélection, dans le contexte d'une participation volontaire de chaque utilisateur à des systèmes mutualisés.

L'interprofession de la génétique des ruminants France Génétique Elevage et l'unité CTIG d'INRAe ont conduit conjointement depuis 2024 un travail approfondi de description du périmètre, des fonctions et des dépendances de l'ensemble des systèmes d'information concernés (ruminants) pour en faciliter la compréhension et justifier le positionnement des structures professionnelles intéressées à la reprise de la responsabilité de ces systèmes d'information.

Le présent document, associé à un tableau présentant de façon plus détaillée les sous-systèmes associés à chaque système listé ci-dessous et leurs interdépendances résume l'ensemble de ces travaux et constitue le document préalable au Webinaire du 9 septembre. Ces documents visent à documenter l'objet d'un Appel à Manifestation d'Intérêt (AMI) visant à organiser le transfert de la responsabilité des systèmes d'information concernés (ruminants) aux structures professionnelles intéressés.

Ces documents seront complétés durant et suivant le webinaire par la présentation d'une part du processus d'appel à manifestation d'intérêt à la reprise de ces systèmes d'information qui sera organisé par la DGPE et d'autre part la présentation par l'unité CTIG INRAe des budgets annuels prévisionnels correspondant à la poursuite de l'exploitation à l'identique au CTIG des modules qui y sont exploités aujourd'hui.

# Méthode et structure du document

Les systèmes d'information zootechniques, et les services associés recensés pour leur exploitation au CTIG ont été organisés selon deux critères qui se croisent :

## 1. la ou les filières concernées :

- **T** : Toutes
- **PR** : Petits Ruminants
- **B** : Bovins
- **BV** : Bovins Viande
- **BL** : Bovins Lait
- **C** : Caprins (principalement lait)
- **CA** : Caprins Angora
- **O** : Ovins
- **OA** : Ovins Allaitants
- **OL** : Ovins Lait

## 2. le périmètre fonctionnel dont fait partie le service :

| Périmètre fonctionnel                                                                                                                                                                                                  | Définition                                                                                            |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <b>Périmètres visés par le transfert de responsabilité aux professionnels / AMI</b>                                                                                                                                    |                                                                                                       |
| <b>Services aux éleveurs</b>                                                                                                                                                                                           | Service produisant un résultat directement visible par les éleveurs (type front office)               |
| <b>Gestion des données prof</b>                                                                                                                                                                                        | Service gérant les données nécessaires aux services aux éleveurs (type back office)                   |
| <b>Gestion animaux étrangers</b>                                                                                                                                                                                       |                                                                                                       |
| <b>Paramétrage</b>                                                                                                                                                                                                     | Paramétrage outils et référentiels communs Profession - Recherche                                     |
| <i>Pour information : périmètres exclus du transfert de responsabilité aux professionnels / AMI : il s'agit de services organisés sous forme de prestations du CTIG, ou qui relèvent de missions de service public</i> |                                                                                                       |
| <i>Valogene</i>                                                                                                                                                                                                        | <i>Prestation Valogene</i>                                                                            |
| <i>ETRIA</i>                                                                                                                                                                                                           | <i>Délégation MASA à Idele pour l'enregistrement des informations requises pour la monte publique</i> |
| <i>Geneval</i>                                                                                                                                                                                                         | <i>Prestation Geneval</i>                                                                             |
| <i>Idele</i>                                                                                                                                                                                                           | <i>Prestation Idele</i>                                                                               |
| <i>Missions BNDZ</i>                                                                                                                                                                                                   | <i>Service répondant aux finalités de la BNDZ</i>                                                     |
| <i>DGAL</i>                                                                                                                                                                                                            | <i>Identification et traçabilité bovins – IPG, comparaison SIG BDNI</i>                               |

L'objet de ce document est de présenter de manière synthétique les fonctionnalités de chaque service en indiquant pour chacun d'eux :

- **Type(s) de données concernées :**
  - Identification
  - Généalogie
  - Performances / Phénotypes
  - Génotype
  - Index
  - Autres (le cas échéant)
- Filière(s)
- Objectif général
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre du service
- Perspectives (facultatif) : (à renseigner le cas échéant)
- Utilisateur : celui qui appelle le service
- Bénéficiaire : celui qui valorise les résultats du service

La présentation du détail de chaque service est organisée par périmètre fonctionnel.

## Périmètre fonctionnel « Services aux éleveurs »

### **18. BGTA**

- Filière(s) : BV
- Types données : Identité, Généalogie, Performances, index, données troupeau et autres sous-produits de l'indexation (taureaux connecteurs...).
- Objectif général : constitution d'un document récapitulant les caractéristiques génétiques et zootechniques des ateliers bovins allaitants, le Bilan Génétique de Troupeau Allaitant, à l'issue des indexations en race pure.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Extraction des données du SIG, des BDIR aller et retour et de DIFFUBA pour le calcul de résultats à l'échelle du troupeau et mise en forme sur un document normalisé. Mise à disposition au travers d'un site web dédié appellable par différents portails éleveurs.
- Utilisateurs : idele et CTIG par délégation de la MOA.
- Bénéficiaires : Techniciens des OS et de leurs délégataires et éleveurs.
- Perspectives : Cette application doit être complètement refondue. Transitoirement, suite au passage au single step entraînant la non-reconduite de la BDIR retour BV et l'utilisation du SI DVG, une adaptation transitoire pourrait être réalisée.

### **27. DIFFUBA**

- Filière(s) : BV
- Types données : index et autres données sous-produits de l'indexation (comptages, données troupeau, effets...), caractère publiable ou non des index.

- Objectif général : mettre à disposition des utilisateurs les index bovins allaitants, principalement les index publiables dans le SIG.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Chaîne de traitement qui utilise les données en entrée d'indexation (BDIR aller), les index fournis par GenEval (BDIR retour) des données du SIG et de SIGENO pour déterminer les index qui sont publiables en s'appuyant sur des règles de décision et des paramétrages spécifiques de chaque race.
  - Production des fichiers des index publiables pour les bases de chaque opérateur SIG en fonction des abonnements de chaque site aux dossiers animaux.
  - Production des fichiers des données d'effets et d'accompagnement pour mise à jour du SIG
  - Mise à disposition d'index pour des utilisations particulières
- Utilisateurs : Idele (par délégation des OS) –
- Bénéficiaires : BGTA – OS et leurs délégataires via le SIG qui reçoit les index
- Perspectives : la détermination des index publiable et leur transmission au SIG / base pro se feront à partir de l'été 2025 via le SI DVG. Cette chaîne ne sera plus utilisée en l'état. Certains modules pourront éventuellement être adaptés et utilisés pour poursuivre l'alimentation du SIG en attendant la mise à jour directe vers la base pro avec gestion des index renouvelée.

## **28. DIFFUBL et ST DVG**

- Filière(s) : BL
- Types données : index et sous-produits de l'indexation dont les effets troupeaux, caractère publiable des index.
- Objectif général : mettre à disposition des utilisateurs les index bovins lait, principalement les index publiables dans le SIG.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Chaîne de traitement qui utilise les données en entrée d'indexation (BDIR aller), les index fournis par GenEval (BDIR retour) des données du SIG, de SIGENO *pour déterminer les index qui sont publiables en s'appuyant sur des règles de décision et des paramétrages spécifiques de chaque race.*
  - Production des fichiers des index publiables pour les bases de chaque opérateur SIG en fonction des abonnements de chaque site aux dossiers animaux.
  - Mise à disposition d'index pour des utilisations particulières (dépôts ftp de fichiers pour les OS)
- Utilisateurs : Idele (par délégation des OS) – OS via le SIG qui reçoit les index
- Perspectives : le ST DVG a remplacé DIFFUBL suite au changement de méthode d'indexation (passage au single-step). Depuis la mise en place du SI DVG au niveau duquel se fait la détermination des animaux publiables, un répartiteur fait le lien entre les données sorties du SI DVG et une partie des programmes de ce ST DVG. Ces programmes s'arrêteront quand les fonctionnalités manquantes à partir du SI DVG seront mises en place et quand la gestion des index dans la base pro sera renouvelée.

## **34. FIVL**

- Filière(s) : BL
- Types données : Données de production laitières, généalogie et index
- Objectif général : outil de mise disposition des Fiches Individuelles Vache Laitière (FIVL) qui récapitulent la carrière d'un animal avec les données suivantes :
  - Généalogie de l'animal
  - Index morphologiques et fonctionnels de l'animal et de ses parents
  - Lactations de l'animal et de sa mère
  - Produits
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : génération des FIVL en pdf à partir des données présentes dans le SIG. Utilisé également par le CTIG pour produire des FIVL papier envoyées aux ECEL
- Utilisateurs : OS et les ECEL délégataires, outils éleveurs fournis par les ARSOE, CTIG
- Bénéficiaires : éleveurs

#### **54. SECI**

Voir fiche complète dans le périmètre « Gestion données professionnelles ». Certains sous-services relèvent du service aux éleveurs.

#### **55. SI Diffusion Index caprins**

- Filière(s) : CL
- Types données : index et données troupeau produits par l'indexation – utilisation d'une BD dite BD hors SIECL.
- Objectif général : mettre à disposition des utilisateurs les index et les notes intra-troupeau pour les caprins laitiers ainsi que les données de connexion et typologie des exploitations
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - A partir des index fournis par GenEval, déterminer ceux qui sont diffusables en base raciale, calculer des notes intra-troupeau,
  - à partir des données de SIECL et des données de connexion, déterminer la typologie des exploitations,
  - Mettre à jour la BD hors SIECL et le volet indexation de l'infocentre ((index, notes, causes d'invalidations ...),
  - produire les fichiers d'index, notes, données troupeau à mettre à jour dans SIECL
  - transmettre ces fichiers aux sites régionaux ainsi que les fichiers boucs d'IA et données de qualifications Capgènes.
- Utilisateurs : idele (par délégation de Capgènes), Capgènes
- Bénéficiaires : OS (Capgènes), éleveurs, EMP via SIECL qui reçoit les index.

#### **56. SI Diffusion Index OA**

- Filière(s) : OA
- Types données : index en ferme et en station et qualification.

- Objectif général : Il ne s'agit pas à proprement parler d'un SI. Il s'agit plutôt de plusieurs chaînes de traitement qui prennent en compte les index fournis par GenEval et stockés dans un répertoire de la BDIR pour produire les fichiers d'index et qualifications à diffuser dans OVAL en fonction d'un certain nombre de paramètres de diffusion et de calcul relatifs à la race.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Il existe une chaîne maîtrisée et lancée par IDELE et une chaîne lancée par l'exploitation au CTIG sous feu vert d'IDELE. Les fichiers d'index et qualification produits par les 2 chaînes de traitements sont stockés dans la BDIR retour OA. Le processus met à jour les tables d'index et de qualification du SI OA.
- Utilisateurs : OVAL

## **57. SI Diffusion Index OL**

- Filière(s) : OL
- Types données : index et qualifications
- Objectif général : Il ne s'agit pas à proprement parler d'un SI. Il s'agit plutôt de plusieurs chaînes de traitement qui prennent en compte les index fournis par GenEval et stockés dans un répertoire de la BDIR pour produire les fichiers d'index et qualifications à diffuser dans SIEOL en fonction d'un certain nombre de paramètres de diffusion et de calcul relatifs à la race.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Il existe une chaîne maîtrisée et lancée par IDELE et une chaîne lancée par l'exploitation au CTIG sous feu vert d'IDELE. Les fichiers d'index et qualification produits par les 2 chaînes de traitements sont stockés dans la BDIR retour OL. Le processus met à jour les tables d'index et de qualification du SI SIEOL.
- Utilisateurs : SIEOL
- Bénéficiaire : SIEOL + OS et leurs délégataires

## **62. SI SPIE « Extrac pour Synchronisation SIG »**

- Filière(s) : B
- Types données : Certification des Parentés Bovines dont race génétique
- Objectif général : Transmettre à la BD du Système Professionnel Informatique de l'Elevage (SPIE) les données destinées à figurer au verso des passeports bovins
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Transmission quotidienne des données de parenté certifiée et de race génétique depuis la Base SIG vers la base SPIE
- Utilisateurs : SPIE, EDE, acteurs ayant droit d'accès à SPIE

## **66. SI-DVG « Répartiteur »**

- Filière(s) : B
- Types données : index et données d'accompagnement
- Objectif général : déterminer les index publiables et non publiables, mettre les index à disposition de la base pro et des OS.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Mise à disposition des résultats des OS et du CTIG (pour mise à jour SIG via un répartiteur)

- Utilisateurs : les OS
- Bénéficiaires : les destinataires des index, les utilisateurs de la base pro.
- Perspectives : mise à jour directement de la base pro renouvelée pour la gestion des index

## **68. SIEOL**

Voir fiche complète dans le périmètre « Gestion données professionnelles ». Certains sous-services relèvent du service aux éleveurs.

## **69. SIG Bovin**

Voir fiche complète dans le périmètre « Gestion données professionnelles ». Certains sous-services relèvent du service aux éleveurs.

## **71. SIGENO Bovins**

Voir fiche complète dans le périmètre « Missions BNDZ ». Certains sous-services relèvent du service aux éleveurs.

## **72. SIGENO ME**

Voir fiche complète dans le périmètre « Missions BNDZ ». Certains sous-services relèvent du service aux éleveurs.

## **73. SIGENO PR**

Voir fiche complète dans le périmètre « Evaluation ». Certains sous-services relèvent du service aux éleveurs.

## **75. Tournées bovines laitières Hors SIG**

- Filière(s) : BL
- Types données :
  - En lecture : identification, contrats, généalogie, performance lait
- Objectif général :
  - Préparer les tournées de pointage morphologie en race laitière pour les OS et leurs délégataires (EMP, ES) en leur fournissant la liste des animaux à pointer dans les cheptels.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Batch qui lit les informations de demande de tournées dans le SIG et qui va ensuite mettre à jour la liste des cheptels et animaux à pointer dans le SIG.
- Utilisateurs : CTIG
- Bénéficiaires : OS et leurs délégataires, EMP

## **76. Tournées bovines laitières SIG**

- Filière(s) : BL

- Types données :
  - En lecture : identification, reproduction, généalogie
- Objectif général :
  - Contrat morphologie BL : Automatiser l'alimentation des tables du SIG sur les taureaux suivis en morphologie laitière et la délégation de pointage des OS hébergées au CTIG
- Suivi morphologie BL : Calculer les données de suivi de morphologie des taureaux et alimenter les tables correspondantes au SIG en calculant le nombre de femelles pointées. Donner un suivi des cheptels concernés et leur attribuer un opérateur pour les OS hébergées au CTIG et clôturer automatiquement les taureaux dès qu'ils ont atteint le nombre de filles à pointer.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Contrat morphologie BL : Batch qui lit les tables SIG et génère des agrégats SIG pour alimenter les tables des taureaux suivis et de la délégation de pointage. Fréquence : une fois par an
  - Suivi morphologie BL : batch qui lit les tables du SIG, calcule les données et génère les agrégats qui viendront alimenter les tables SIG d'attribution des cheptels, de suivi des taureaux et des taureaux de testage. Fréquence : une fois par semaine
- Utilisateurs : CTIG; OS et leurs délégataires, EMP
- Bénéficiaires : OS et leurs délégataires, EMP

## **79. Diffusion indexations mixtes, DIFFUBM**

- Filière(s) : BV et BL
- Types données : index des bovins lait et allaitants sur une production d'animaux croisés
  - Chaîne de traitement qui utilise les données en entrée d'indexation (BDIR aller), les index fournis par GenEval (BDIR retour) des données du SIG, de SIGENO, pour déterminer les index qui sont publiables en s'appuyant sur des règles de décision et des paramétrages spécifiques de chaque race.
  - Production des fichiers des index publiables pour les bases de chaque opérateur SIG en fonction des abonnements de chaque site aux dossiers animaux.
- Utilisateurs : Idele (par délégation des OS)
- Bénéficiaires : OS, éleveurs via le SIG qui reçoit les index
- Perspectives : la détermination des index publiable et leur transmission au SIG / base pro se feront à partir de l'été 2025 via le SI DVG. Cette chaîne ne sera plus utilisée en l'état. Certains modules pourront éventuellement être adaptés et utilisés pour poursuivre l'alimentation du SIG en attendant la mise à jour directe vers la base pro avec gestion des index renouvelée.

# Périmètre fonctionnel « Gestion des données professionnelles »

## **1. Apports phénotypes hors SNIG**

- Filière(s) : Bovins
- Types données : Phénotypes qui ne circulent pas encore dans les BGR ou la Base Pro (lésions podales, prédictors MIR, données de santé)
- Objectif général : Collecter les données destinées à une évaluation dès la phase de recherche. Une fois celle-ci terminée, disposer d'une solution temporaire pour démarrer les évaluations de routine en attendant le calage de flux de données pérennes
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : C'est conçu pour être une solution d'attente avant un transit par les SI professionnels
- Utilisateurs : Geneval = Evaluation
- Bénéficiaires : OS = Apporteurs, UMT = recherche, tous partenaires du programme de sélection

## **2. Base Boucs**

- Filière(s) : C
- Types données : données administratives et techniques des boucs d'insémination animale (en complément de données gérées par Capgènes).
- Objectif général : suivi du processus d'autorisation des boucs d'IA et de diffusion des doses.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Saisie et vérification des données des boucs d'IA, qu'ils soient de race laitière contrôlée, de RPE, Angora ou de race à viande. NB : applicatif adossé à SIECL qui est orienté CL.
- Utilisateurs : Capgènes, Idele.
- Bénéficiaires : Capgènes et ses délégataires via SIECL (destinataire de la liste des boucs d'IA).

## **23. Consultations génériques**

- Filière(s) : T
- Types données : Toutes
- Objectif général : Outil générant automatiquement des écrans de consultation en accès libre à partir d'un fichier Excel de paramétrage et du MPD de la BD + IHM de consultation générées avec cet outil. Mis en œuvre au moins sur toutes les bases SNIG + ETRIA
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : IHM de consultation des bases + mise à jour de ces IHM. Accès dossier par dossier sur l'identifiant du dossier.
- Utilisateurs : collègues G2P Idele, OS, ARSOE... Liste tenue à jour par le CTIG

## **25. Copie Normabev (convention Idele)**

- Filière(s) : B

- Types données : Performances : données d'abattage
- Objectif général : BD contenant les données d'abattage mises à disposition par NORMABEV à Idele dans le cadre d'une convention prévoyant explicitement les valorisations autorisées : indexation (race pure BV et BL, en croisement), statistiques pour les races menacées, études économiques
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : un programme extrait, à partir de l'ensemble des données Normabev fournies, celles utiles pour l'indexation sur Aptitudes Bouchères en carcasses afin de les mettre à disposition de GenEval
- Utilisateurs : GenEval en tant qu'indexeur, Idele dont service économie d'Idele
- Bénéficiaires : bénéficiaires des études du service économie de l'élevage.

### **35. Flux SIGENO-Base ADN**

- Filière(s) : B
- Types données : Généalogie
- Objectif général : Apporter au dispositif CPB via la Base ADN et la Base Pro les informations de contrôles de parenté sous-produits de l'indexation génomique
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Dépôt dans le compte SFTP d'approvisionnement du batch ADN d'un fichier brut (verifpara) tel que produit par la chaîne d'indexation génomique. Toute la valorisation du fichier est prise en charge par le Batch ADN qui est hors du périmètre CTIG.
- Utilisateurs : FGE pour mise à disposition des OS et EDE

### **38. IBOVAL Etrangers**

- Filière(s) : BV
- Types données : Identification, Généalogies, Performances, Index et sous-produits de l'indexation.
- Objectif général : pour des populations étrangères, mettre à disposition des index Iboval dans le cadre d'une prestation pour un OS étranger
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Récupérer et valider les données transmises par les OS étrangers,
  - Les mettre à disposition de l'indexeur par agrégation dans la BDIR aller,
  - Récupérer les index fournis par l'indexeur, déterminer ceux qui sont publiables et les restituer aux organismes étrangers (cf. DIFFUBA)
  - Produire et mettre à disposition un BGTA (cf. BGTA)
- Utilisateurs : Idele (par délégation des OS)
- Bénéficiaires : OS étrangers
- Perspectives : les volets aval de ce dispositif (diffusion des index et BGTA) devront évoluer en parallèle de l'évolution du dispositif français en lien avec le déploiement du SI DVG.

### **40. Infosnig Caprins (DGA20)**

- Filière(s) : CL
- Types données : Toutes
- Objectif général : mise à disposition sous forme de fichiers plats consolidés du contenu de SIECL à des fins de recherche et valorisations diverses dans le respect des droits d'accès accordés par FGE.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Extraction de la plupart des tables SIECL et mise à disposition des utilisateurs sous forme de fichiers texte,
  - Les données index, notes, causes d'invalidations... sont apportées par la chaîne de diffusion de résultats de l'indexation.
- Utilisateurs : Idele, Capgènes.
- Bénéficiaires : Capgènes, UMT STAR

#### **41. InfoSNIG CTIG (DGA20)**

- Filière(s) : B
- Types données : Toutes
- Objectif général : Copie sous forme de fichiers plats consolidés du contenu du SIG à des fins de recherche et de valorisations diverses dans le respect des droits d'accès accordés par FGE.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Extraction hebdomadaire de la plupart des tables du SIG et mise à disposition des utilisateurs sous forme de fichiers texte.
- Utilisateurs : Idele, UMT e-Bis, INRAe

#### **43. INMOLE (PrP & co)**

- Filière(s) : OL et OA
- Types données : typages PrP et autres gènes majeurs
- Objectif général : INMOLE est la base de données qui stocke les typages PrP (objectif premier) et certains autres gènes majeurs fournis par les laboratoires d'analyse ou par les lectures des SNP des puces génomiques.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : INMOLE est approvisionné par les laboratoires d'analyses et est en relation avec SIEOL et OVALL pour mettre à jour ces SNIG avec les données de typages, ainsi qu'avec les prédictions de typages (à partir des typages effectifs et des relations de parenté entre animaux).
- Utilisateurs : SIEOL et OVALL. UMT STAR pour bilan de l'évolution de la fréquence de PrP dans les populations raciales.
- Bénéficiaire : idem + OS et délégataires

#### **50. OVALL**

- Filière(s) : OA
- Types données : Identification, mouvements, Généalogie, luttres, mises-bas, performance/Phénotype, qualifications, index, génotypages gènes d'intérêt et prédictions

- Objectif général : OVALL est un logiciel permettant la saisie, l'import des logiciels éleveurs et de la mise à disposition des données selon des modalités et un format national.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : OVALL permet de saisir les données ou via importation logiciels éleveurs, de les valoriser et de les transmettre au CTIG. Il récupère les données d'indexation et il récupère les données génotypage depuis OVIGEN
- Utilisateurs : organismes de contrôle de performances et Organismes de sélection

## **52. Réplication PR**

- Filière(s) : PR
- Types données :
  - Données gérées : données de paramétrage permettant le bon fonctionnement des échanges de données et données d'administration des échanges de données
  - Données véhiculées : toutes les données des SNIG PR, données du périmètre multi-espèces du SIG
- Objectif général : Assurer la circulation des données entre les bases des différents opérateurs SNIG PR.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Assurer à partir de chacun des SNIG PR des ARSOE, la mise en forme et l'envoi des données modifiées vers le site central,
  - Au niveau de chaque site régional : assurer et suivre l'incorporation des données dans la base,
  - Site central : mettre à jour sa base de données avec les données reçues des sites et rerouter les données vers les autres sites régionaux (qui contiennent les données de toute la population à l'exception d'animaux archivés)
  - Au niveau du site central, assurer aussi la transmission vers les sites régionaux des données multi-espèces mises à disposition via la table mise à jour par les échanges multi-espèces.
  - Des programmes spécifiques faisant partie du périmètre de la réplication permettent de charger les index CL (programme LOADIS) et ovins viande (EODIFF)
- Utilisateurs : les SNIG PR et leurs utilisateurs des SNIG.
- Bénéficiaires : OS et leurs délégataires, EMP utilisateurs de SIECL.
- Perspectives : à faire évoluer (voire supprimer) selon les évolutions pour une BDZN caprines et pour tenir compte de l'arrêt des échanges SIG (dont les échanges multi-espèces).

## **54. SECI**

- Filière(s) : BV Bovins Viande
- Types données : Identification, Généalogie, performance/ Phénotype, Index
- Objectif général : SECI est un logiciel permettant aux OS de gérer les lots d'animaux au sein des différentes stations d'évaluations et de contrôle individuels.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : SECI permet notamment
  - Pour la race charolais , OS HBC :

- L'enregistrement des animaux et leurs parcours en station
- L'enregistrement des performances (pesées, pointages, mensurations internes et externe, + consommation d'aliment pour les stations de contrôle individuel).
- La récupération des index en provenance de Geneval
- L'affichage des éditions utiles aux OS, tels que des catalogues de commission et de vente et différentes listes de valorisation.
- Pour toutes les autres races :
- Le paramétrage de l'outil, avec un lien vers le SECI de Soual pour les races non hébergées au CTIG. Le paramétrage n'est aujourd'hui possible que depuis le CTIG
- Utilisateurs : stations, OS
- Bénéficiaires : OS (HBC étant le principal utilisateur, les autres OS bovins allaitant sont concernés uniquement par la possibilité de gérer le paramétrage de SECI)

## **67. SIECL**

- Filière(s) : C (presque exclusivement CL)
- Types données :
  - identité,
  - mouvements,
  - mises-bas,
  - événements de reproduction, échographie et valorisation
  - parentés,
  - Données des boucs d'IA
  - phénotypes : données brutes du contrôle laitiers en provenance des ECEL et des laboratoires d'analyse de lait, données élaborées (cumul et qualification de lactations)
  - index, connexion et typologie troupeau
  - qualifications OS,
  - Analyse et gènes d'intérêt
  - Contrats exploitation (les autres données exploitation sont utilisées à partir du périmètre multi-espèce du SIG)
  - Données technico-économiques : les tables du logiciel CapTêch font partie du modèle SIECL et suivent les mêmes circuits d'échanges. Mais la MOA n'est pas FGE.
- Objectif général :.
  - Permettre aux utilisateurs d'enregistrer les données qu'ils collectent, calculer des données élaborées (ex : cumul de lactation),
  - Mettre ces données à la disposition des autres utilisateurs. En particulier, ces données sont mises à la disposition de l'indexeur à partir de la base nationale hébergée au CTIG.
  - Mettre à disposition les index génétiques des animaux.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Saisie et valorisation des données via SIECL micro, outil pour les techniciens de terrain fonctionnant en mode déconnecté ou SIECL régional, en mode connecté.
  - Ces outils s'appuient tous sur un même ensemble de fonctions de mise à jour.
- Utilisateurs : OCP caprins lait, EMP, Capgènes (OES pour toutes les races caprines).
- Bénéficiaires : idem – UMT STAR via infocentre et BDIR
- Perspectives : s'adapter aux évolutions générales de contexte – intégrer les RPE

## 68. SIEOL

- Filière(s) : OL
- Types données : toutes données collectées ou calculées dans SIEOL : identité, mouvements, mises-bas et luttés, phénotypes, environnement du phénotype, reconnaissance OS, gènes d'intérêt et prédictions PrP, index et qualifications, bilans brebis et bilans troupeaux
- Objectif général : la base SIEOL au CTIG est le niveau national du système d'information SIEOL, autrement dit le nœud central du SI SIEOL.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : sa fonctionnalité est de centraliser les données régionales (une seule base professionnelle régional en l'occurrence pour les OL), d'être la source des données nécessaires à l'indexation et de permettre à l'écosystème génétique de réaliser les études utiles à l'amélioration génétique des races françaises. Le modèle de données de la base SIEOL au CTIG est identique à celui de la base professionnelle régionale et des bases locales des techniciens. Le périmètre et la profondeur (quasi) des données gérées au CTIG sont identiques à ceux du niveau régional (Soual).
- Utilisateurs : OS et leurs délégataires via SIEOL régional (à la fois source et utilisateur de données) via la réplique petits ruminants, Valogène.
- Bénéficiaires : idem + GenEval + UMT STAR.

## 69. SIG Bovins

- Filière(s) : B
- Types données :
  - Données multispèces : cf. 70 – SIG Multispèces
  - **[Données d'identité et de mouvements des bovins] : la gestion des données d'identification et mouvements bovins est exclue du périmètre de l'AMI/Transfert - compétence DGAL**
  - Données concernant les contrats : contrats en cours des élevages (CPB, CPL, CPV, OS...)
  - Données de généalogie : CPB, VCG
  - Données de reproduction : IA, montes naturelles, etc.
  - Données de contrôles de performances et de Phénotype : toutes données CPL et CPV
  - Index bovins lait, viande, mixte
  - Données de références tous périmètres
  - Données d'abonnement
- Objectif général :
  - Enregistrer et mettre à la disposition des utilisateurs l'ensemble des données relevant du périmètre génétique permettant de calculer les index, ainsi que des données de gestion des OS et de leurs délégataires, des EMP.
  - Mettre à disposition les index génétiques des animaux
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Base de données et logiciels d'enregistrement des données (fonctions SIG P1)
  - Système d'échange et d'abonnement permettant la mise à disposition et le recueil des données aux sites régionaux
  - Outils de calcul et mise à disposition d'indicateurs pour le SMQ (peut-être faut-il rajouter un sous-système ?)

- Utilisateurs : EdE, OCP lait et viande, EMP, ES, OS, ARSOE, CTIG, idele
- Bénéficiaires:: EdE, OCP lait et viande, EMP, ES, OS, éleveurs
- 

## **70. SIG Multi Espèces**

- Filière(s) : Toutes
- Types données :
  - Données exploitations, détenteurs, EMP, inséminateurs
- Objectif général :
  - Regrouper les données communes à tous les SNIG pour éviter des modélisations divergentes. Sur ces données, les objectifs sont les mêmes que pour chaque SNIG : Enregistrer et mettre à la disposition des utilisateurs l'ensemble des données relevant du périmètre génétique permettant de calculer les index, ainsi que des données de gestion des OS et de leurs délégataires, des EMP.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Base de données et logiciels d'enregistrement des données (fonctions SIG P1)
  - Système d'échange et d'abonnement permettant la mise à disposition et le recueil des données aux sites régionaux
- Utilisateurs : EdE, OCP lait et viande, EMP, ES, OS, ARSOE.

## **71. SIGENO Bovins**

Voir fiche complète dans le périmètre « Missions BNDZ ». Certains sous-services relèvent de la gestion des données professionnelles.

## **72. SIGENO ME**

Voir fiche complète dans le périmètre « Missions BNDZ ». Certains sous-services relèvent de la gestion des données professionnelles.

## **73. SIGENO PR**

Voir fiche complète dans le périmètre « Evaluation ». Certains sous-services relèvent de la gestion des données professionnelles.

# Périmètre « Gestion animaux étrangers »

## **33. ETRIA**

Voir fiche complète dans le périmètre « Hors AMI ». Certains sous-services relèvent de la gestion des animaux étrangers.

## **37. Gestion des N° étrangers**

- Filière(s) : B
- Types données : Identification
- Objectif général : Stocker les différents identifiants connus pour les animaux étrangers et déterminer lequel utiliser dans les échanges avec Interbull.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Récupération des différents identifiants connus d'Interbull dans le fichier IDEA et génération des identifiants manquants en s'appuyant sur plusieurs tables de correspondance internes à l'outil.
- Utilisateurs : Geneval pour les échanges avec Interbull, OS

# Périmètre fonctionnel « Paramétrage »

**Le transfert de la responsabilité et de la gouvernance pour ce périmètre sera organisé sous la condition d'une coordination avec les acteurs de la recherche publique.**

## **71. SIGENO Bovins**

Voir fiche complète dans le périmètre « Missions BNDZ ».

Certains sous-services relèvent du paramétrage d'outils de génotypage (configuration puces) communs aux programmes de sélection et aux acteurs de la recherche (gestion UMT).

## **73. SIGENO PR**

Voir fiche complète dans le périmètre « Evaluation ».

Certains sous-services relèvent du paramétrage d'outils de génotypage (configuration puces) communs aux programmes de sélection et aux acteurs de la recherche (gestion UMT).

## Périmètres Fonctionnels HORS AMI transfert responsabilité

Les services des périmètres ci-dessous sont décrits car ils présentent des interdépendances avec les services faisant l'objet de l'AMI.

Ils n'en font pas partie, car ils sont déjà assurés par le CTIG sous forme de prestation avec une MOA déjà identifiée ou, pour le dernier périmètre car ils relèvent des missions confiées à INRAE par le MASA.

### Périmètre « Valogène »

#### **64. SI Valogène**

- Filière(s) : Toutes filières ruminants
- Types données : Systeme d'information de la société d'exploitation
- Objectif général : il s'agit de l'ensemble des données et des processus associés qui permettent à la société d'exploitation d'assurer ses missions
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : ( données gérées, commandes, gestion des actifs, outils de gestion des demandes ). Services proposés par le CTIG et/ou opérés en propre par Valogène. Soumis à convention INRAE/Valogène
- Utilisateurs : Valogène

### Périmètre « ETRIA »

#### **33. ETRIA**

- Filière(s) : Toutes
- Types données : Données administratives
- Objectif général : Enregistrement des déclarations réglementaire prévues dans l'arrêté sur la monte publique : entreprises de mise en place de semence, reproducteurs
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : L'outil permet le dépôt par les entreprises déclarantes des documents exigés par l'arrêté et l'enregistrement dans la Base Pro + données spécificités ETRIA des données administratives des EMP et inséminateurs des 3 espèces et des mâles reproducteurs des espèces bovines et ovines. La vérification de la validité des documents est faite « manuellement » par les agents d'Idele.

2 modules complémentaires gèrent en outre :

- Le chargement des index génomiques pour information des déclarants
- La gestion du N° Interbull maître
- Utilisateurs : Entreprises de sélection et déclarantes, EMP, Idele

### Périmètre « Geneval »

#### **6. BDIR Bovin allaitant Aller)**

- Filière(s) : BV

- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : Mise à disposition de données pour l'indexeur, en vue de la réalisation des indexations pour les races bovines allaitantes en race pure. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Le programme de constitution de la BDIR aller vise à extraire les données du SIG nécessaires à l'indexation Iboval (historique des pedigrees, performances et données d'accompagnement) afin de les mettre à disposition de GenEval. La BDIR est enrichie des données Normabev mises à disposition dans le cadre d'une convention Normabev / Idele spécifique. Les données sont synthétisées sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation.
- Cette BDIR ne contient pas les données de génotypages.

Utilisateurs : , Idele (déclencheur des traitements par délégation de GenEval), GenEval en tant qu'indexeur ; .INRAe , Idele pour la recherche

- Bénéficiaires : Idem et UMT eBIS
- Perspectives : limiter les utilisations à celles de l'indexeur et utiliser un autre infocentre pour les valorisations de l'UMT.

## 8. BDIR Bovin lait Aller

- Filière(s) : BL
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : Mise à disposition de données pour l'indexeur GenEval, en vue de la réalisation des indexations en race pure pour les races bovines laitières. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : le programme de constitution de la BDIR aller vise à extraire les données du SIG nécessaires à l'indexation IBL (historique des pedigrees, performances et données d'accompagnement) afin de les mettre à disposition de GenEval. Les données sont synthétisées sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation.
- Cette BDIR ne contient pas les données de génotypage.
- Utilisateurs : GenEval en tant qu'indexeur, INRAe , Idele pour la recherche et statistiques

## 10. BDIR OVALL Aller

- Filière(s) : OA
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : La BDIR aller vise à extraire les données de OVALL nécessaire à l'indexation OA, afin de la mettre à disposition de GENEVAL La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : La BDIR lit la base de données relationnelle OAVLL et synthétise l'information sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation. La BDIR extrait l'ensemble de l'historique des pedigrees et performances nécessaire à l'indexation.
- Utilisateurs : GenEval en tant qu'indexeur. .INRAe , Idele pour la recherche et statistiques

## 12. BDIR SIECL Aller

- Filière(s) : CL
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : Mise à disposition de données pour l'indexeur GenEval, en vue de la réalisation des indexations pour les races caprines laitières. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : le programme de constitution de la BDIR aller vise à extraire les données du SIECL nécessaires à l'indexation des caprins lait (historique des pédigrées, performances et données d'accompagnement) afin de les mettre à disposition de GenEval. Les données sont synthétisées sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation.
- Cette BDIR ne contient pas les données de génotypage.
- Utilisateurs : Idele (par délégation de GenEval), GenEval en tant qu'indexeur. INRAe, Idele pour la recherche et les statistiques
- Bénéficiaires : Idem et UMT STAR
- Perspectives : limiter les utilisations à celles de l'indexeur et utiliser un autre infocentre pour les valorisations de l'UMT.

#### 14. BDIR SIEOL Aller

- Filière(s) : OL
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : La BDIR aller vise à extraire les données de SIEOL nécessaire à l'indexation OL, afin de la mettre à disposition de GENEVAL. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : La BDIR lit la base de données relationnelle SIEOL et synthétise l'information sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation. La BDIR extrait l'ensemble de l'historique des pédigrées et performance nécessaire à l'indexation.
- Utilisateurs : Idele (déclencheur des traitements par délégation de GénEval), GenEval en tant qu'indexeur, UMT STAR pour recherche et statistiques
- Bénéficiaire : idem

#### 59. SI GenEval

- Filière(s) : Ruminants
- Types données : Systeme d'information de l'évaluateur
- Objectif général : il s'agit de l'ensemble des données et des processus associés qui permettent à l'évaluateur d'assurer ses missions
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : ( données gérées, index calculés et co produits, commandes, gestion des actifs, outils de gestion des demandes...). Services proposés par le CTIG et/ou opérés en propre per Geneval. Soumis à convention INRAE/Geneval
- Utilisateurs : Geneval

#### 71. SIGENO Bovins

Voir fiche complète dans le périmètre « Missions BNDZ ». Certains sous-services relèvent de l'évaluation.

### **73. SIGENO PR**

SIGENO pour les espèces caprines et ovins lait (cf fiche 71 « SIGENO Bovins »)

#### **77. BDIR aller pour les indexations mixtes**

- Filière(s) : B
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : Mise à disposition de données pour l'indexeur, en vue de la réalisation des indexations pour les races bovines allaitantes utilisées sur un support maternel laitier. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Le programme de constitution de la BDIR aller vise à extraire les données du SIG nécessaires aux indexations en croisement (historique des pédigrées, performances naissance et données d'accompagnement) afin de les mettre à disposition de GenEval. La BDIR est enrichie des données Normabev mises à disposition dans le cadre d'une convention Normabev / Idele spécifique. Les données sont synthétisées sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation.
- Cette BDIR ne contient pas les données de génotypage.
- Utilisateurs : Idele (déclencheur des traitements par délégation de GénEval), GenEval en tant qu'indexeur).
- Bénéficiaires : Idem et UMT eBIS
- Perspectives : limiter les utilisations à celles de l'indexeur et utiliser un autre infocentre pour les valorisations de l'UMT.

#### **80. BDIR caprins Angora Aller**

- Filière(s) : C
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : Mise à disposition de données pour l'indexeur GenEval, en vue de la réalisation des indexations de la race caprine angora. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : le programme de constitution de la BDIR aller se fait en 2 étapes : Capgènes extrait les données de la base Angora nécessaires à l'indexation (historique des pédigrées, performances et données d'accompagnement) et les transmet à l'INRAE qui les mets au format requis avant mise à disposition de GenEval. Les données sont synthétisées sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation.
- Cette BDIR ne contient pas les données de génotypage.
- Utilisateurs : Idele (par délégation de GenEval), GenEval en tant qu'indexeur.
- Bénéficiaires : Idem et UMT STAR. pour recherche et statistiques

#### **Périmètre « Idele »**

## 42. Infrastructure pour Idele

- Filière(s) : Toutes
- Types données : Non concerné
- Objectif général : Regroupe les outils mis à disposition par le CTIG à l'équipe Idele : materiel (espace disque...) et logiciel (logiciels sous licence...)
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Fournir un environnement de travail ergonomique à l'équipe Idele.
- Utilisateurs : Idele

## Périmètre « Missions BNDZ »

### 7. BDIR Retour Bovin allaitant indexation RP et indexation croisement BV + BL

- Filière(s) : B
- Types données : Index et autres données élaborées par l'indexeur suite aux indexations en race pure pour les races allaitantes et en croisement pour les races bovines laitières et allaitantes.
- Objectif général : La BDIR retour vise à mettre à disposition de l'INRAe et des maîtres d'œuvre de la diffusion les informations d'index produites par GenEval nécessaires aux études sur les index (évolutions génétiques, etc) et à la diffusion (chaîne DIFFUBA pour les BV et DIFFUBM pour les indexations croisement).
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : GenEval stocke les principaux fichiers issus de l'indexation sous forme de fichiers plats et les met à disposition dans l'espace CTIG. Depuis 3 ans, cette mise à disposition est limitée aux animaux pour lesquels GenEval a eu une commande de l'OS (lien avec la participation au programme de sélection).
- Utilisateurs : OS dans le cadre de la diffusion d'index (via Idele prestataire avec les chaînes de diffusion actuelles DIFFUBA et DIFFUBM) et le site Web idele des index des taureaux.  
.INRAe , Idele pour la recherche et les statistiques
- Bénéficiaires : Idem et UMT eBIS.
- Perspectives : Elle ne sera plus alimentée par GenEval à partir du déploiement de l'indexation single step en BV, donc à partir de l'été 2025 ; la mise à disposition des index se fera directement au SI DVG. Elle a vocation à être remplacée par d'autres dispositifs mis à jour à partir des fichiers retour Single-Step de l'ICI GenEval :
  - Mise à disposition de données à l'UMT eBIS,
  - Mise à disposition de la base pro et du site web idele des sous-produits de l'indexation non pris en charge par le SI-DVG.

### 9. BDIR Bovin lait indexation race pure Retour

- Filière(s) : BL
- Types données : Index et autres données élaborées par l'indexeur lors des indexations BL race pure
- Objectif général : La BDIR retour vise à mettre à disposition de l'UMT eBis et des maîtres d'œuvre de la diffusion les informations d'index produites par GenEval nécessaires aux études sur les index (évolutions génétiques, etc) et à la diffusion (chaîne DIFFUBL puis ST DVG après passage au single step).

- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : GenEval stocke les principaux fichiers issus de l'indexation sous forme de fichiers plats et les met à disposition dans l'espace CTIG.
- Utilisateurs : Diffusion indexation (DIFFUBL puis ST DVG) , INRAe , Idele pour la recherche et le statistiques
- Bénéficiaires : Idem et UMT e-Bis
- Perspectives : depuis l'utilisation du SI DVG, cette BDIR est toujours mise à jour, elle n'est plus utilisée pour la diffusion des index mais est toujours utilisée pour la mise à disposition de certains coproduits de l'indexation (ex : coefficients de parenté).

### **11. BDIR OVALL Retour**

- Filière(s) : OA
- Types données : Index
- Objectif général : La BDIR retour vise à mettre à disposition de l'INRAE et des maîtres d'Oeuvre de la diffusion les informations d'index produites par GenEval nécessaires aux études sur les index (évolutions génétiques, etc) et à la diffusion.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : GenEval stocke les principaux fichiers issus de l'indexation sous forme de fichiers plats et les met à disposition dans l'espace CTIG.
- Utilisateurs : Diffusion indexation et UMT STAR.

### **13. BDIR SIECL Retour**

- Filière(s) : CL
- Types données : Index et données d'accompagnement, données sur les troupeaux
- Objectif général : La BDIR retour vise à mettre à disposition de l'INRAe et des maîtres d'œuvre de la diffusion les informations d'index produites par GenEval nécessaires aux études sur les index (évolutions génétiques, etc) et à la diffusion.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : GenEval stocke les principaux fichiers issus de l'indexation sous forme de fichiers plats et les met à disposition dans l'espace CTIG.
- Utilisateurs : Idele (par délégation de Capgènes pour la diffusion des index) et UMT STAR.
- Bénéficiaires : Idem et UMT STAR

### **15. BDIR SIEOL Retour**

- Filière(s) : OL
- Types données : Index
- Objectif général : La BDIR retour vise à mettre à disposition de l'INRAE et des maîtres d'oeuvre de la diffusion les informations d'index produites par GenEval nécessaires aux études sur les index (évolutions génétiques, etc) et à la diffusion.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : GenEval stocke les principaux fichiers issus de l'indexation sous forme de fichiers plats et les met à disposition dans l'espace CTIG.
- Utilisateurs : Diffusion indexation et UMT STAR. (INRAe , Idele pour la recherche et le statistiques)
- Bénéficiaire : idem

## 17. BNDZ

- Filière(s) : Toutes
- Types données : Identité, Généalogie, Performances, index, Genotypes
- Objectif général : Pour assurer les missions confiées à INRAE par le décret xxxxx (à venir) : avoir un dispositif général qui permet de stocker les données appelées par le MASA
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Stockage des données, outils d'apport e/ou de réplication
- Utilisateurs : MASA/FAM, INRAE/RZG, projets de recherche autorisés, rétrocession aux OS déposants sur demande dans un cadre contractuel.

## 21. Comparaison SIG-BDNI

- Filière(s) : B Bovins
- Types données : Identification, traçabilité
- Objectif général : Fiabiliser les données de la base nationale BDNI en faisant corriger les anomalies par les EdE dans les bases locales.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Calculer le taux de déphasage de tables et de données entre la BDNI, et la Base SIG (répliquât des bases locales) sur le périmètre des exploitations, des naissances à compter de 2008 et des bovins actifs au 1<sup>er</sup> janvier de l'année. Le livrable est le suivant : résultats national et départementaux avec génération et transmission des fichiers de déphasage aux EDE pour analyse, prévus pour mi-avril de chaque année
- Utilisateurs : Idele, EdE, ARSOE, DGAL

## 65. SI VARUME

- Filière(s) : Bovins, Ovins, Caprins
- Types données : Généalogie
- Objectif général : Suivi de la variabilité génétique des populations.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Outil de calcul d'indicateurs de la variabilité génétique des races à partir de paramétrages raciaux et d'années de naissance dont calcul de consanguinité des animaux.
- Utilisateurs : Idele; Résultats mis à disposition de Idele, Ministère, INRAe, OS, ES, enseignement supérieur, journalistes presse agricole.

## 71. SIGENO Bovins

- Filière(s) : Bovins
- Types données :
  - Génotypes et métadonnées associées
- Objectif général :
  - Collecter et stocker tous les génotypes utilisés en évaluation génétique
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre :
  - Gérer les types de puces autorisées
  - Stocker les génotypes et métadonnées associées (correspondance analyse/animal)

- Fournir des extractions à la demande
- Utilisateurs :
  - Sociétés d'exploitation, OS, Evaluateurs, équipes de recherche

## 72. SIGENO ME

SIGENO pour les espèces porcines, équinnes et ovins allaitant (cf fiche 71 « SIGENO Bovins »)

- Filière(s) : B
- Types données : Identification, Généalogie, Performance/ Phénotype
- Objectif général : Mise à disposition de données pour l'indexeur, en vue de la réalisation des indexations pour les races bovines allaitantes utilisées sur un support maternel laitier. La BDIR aller permet aussi une mise à disposition de l'INRAe et d'Idele pour les travaux de recherche
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : Le programme de constitution de la BDIR aller vise à extraire les données du SIG nécessaires aux indexations en croisement (historique des pédigrées, performances naissance et données d'accompagnement) afin de les mettre à disposition de GenEval. La BDIR est enrichie des données Normabev mises à disposition dans le cadre d'une convention Normabev / Idele spécifique. Les données sont synthétisées sous forme de fichiers plats utilisables facilement par les programmes unix, sas, awk et fortran de l'indexation.
- Cette BDIR ne contient pas les données de génotypage.
- Utilisateurs : Idele (déclencheur des traitements par délégation de GenEval), GenEval en tant qu'indexeur).
- Bénéficiaires : Idem et UMT eBIS
- Perspectives : limiter les utilisations à celles de l'indexeur et utiliser un autre infocentre pour les valorisations de l'UMT.

## 81. BDIR caprins Angora Retour

- Filière(s) : C
- Types données : Index et données d'accompagnement
- Objectif général : La BDIR retour vise à mettre à disposition de l'INRAe et des maîtres d'œuvre de la diffusion les informations d'index produites par GenEval nécessaires aux études sur les index (évolutions génétiques, etc) et à la diffusion.
- Principales fonctionnalités et limites de périmètre : GenEval stocke les principaux fichiers issus de l'indexation sous forme de fichiers plats et les met à disposition dans l'espace CTIG.
- Utilisateurs : Idele (par délégation de Capgènes pour la diffusion des index)
- Bénéficiaires : Idem et UMT STAR